



**Application** 

## qPCR法を用いたライブラリー定量による 次世代シーケンス・リード数の安定化 (Roche社 GS Junior)

KAPA Library Quantification kits (KK4851)

KAPA BIOSYSTEMS 社

このアプリケーションノートは、独立行政法人 国立国際医療研究センター 肝炎・免疫研究センター 杉山真也様のご厚意により掲載させて いただきました。

## 比較検討方法

qPCR定量法の導入前後で、次世代シーケンスのリード数のバラツキの違いを散布図にして比較しました。

·導入前のライブラリー定量法: 蛍光測定(Roche社 標準プロトコル)

· 導入後のライブラリー定量法: qPCR法 (KAPA Library Quantification kit, 型番KK4851)

aPCR装置 : Roche LightCycler® 480

ライブラリーDNA : HBVウィルスゲノム

ライブラリー作成キット : Roche社 GS FLX Titanium Rapid Library Preparation Kit

次世代シーケンサー : Roche GS Junior

## 結 果



ライブラリーの定量化にqPCRを導入する前は、リード数が約65,000~132,000と全く安定しなかった。 しかし、KAPA Library Quantification kits を導入したところリード数は約100,000 ~140,000と非常に安定し、その後のシーケンシングの 効率が非常に良くなりました。



KAPA Library Quantification kitsはメーカーの濃度調製済スタンダード溶液がついているため、簡便で再現性 の高い測定が可能です。

それにより期待したリード数を得やすくなりました。

Copyright(C) NIPPON Genetics Co, Ltd All Rights Reserved. 2011.DEC



**Genetics** 日本ジェネティクス株式会社 및 nttp://www.п-genetics.com 03 (3813) 0962 ☑ info@genetics-n.co.jp